

## ***XVIII SEMINÁRIO DE INICIAÇÃO CIENTÍFICA DA UFJF***

### **Grande área:**

Ciências Biológicas

### **Projeto:**

DETERMINAÇÃO DA QUANTIDADE DE DNA POR CITOMETRIA DE FLUXO EM PFAFFIA GLOMERATA

### **Autores:**

MARIZIA TREVIZANI (XIV PROGRAMA INSTITUCIONAL DE BOLSAS DE INICIAÇÃO CIENTÍFICA E TECNOLÓGICA 2011-2012)  
SHAIANY SABRINA LOPES GOMES  
JOSÉ MARCELLO SALABERT DE CAMPOS  
WAGNER CAMPOS OTONI  
ROBERTO FONTES VIEIRA  
LYDERSON FACIO VICCINI (ORIENTADOR)

### **Resumo:**

*Pfaffia glomerata* conhecida no Brasil como "corango", "sempre-viva" ou "ginseng brasileiro", é uma planta medicinal usada como tônico, afrodisíaco analgésico e antiinflamatório. Seu local de ocorrência abrange os estados do Paraná, Mato Grosso e São Paulo. Apesar de sua importância medicinal e farmacêutica, vários aspectos biológicos ainda precisam ser investigados, especialmente aqueles que podem ajudar a discutir a variação tanto genotípica quanto fenotípica e assim permitir uma correta identificação da espécie. Variações no número de cromossomos, morfologia, hábito de crescimento, cor das folhas e inflorescências já foram relatados. Estimativas do conteúdo de DNA por citometria de fluxo têm sido rotineiramente utilizadas como informação taxonômica, com ampla contribuição em estudos de Biosistemática. Dessa forma, o objetivo do presente trabalho foi determinar o conteúdo de DNA de 61 acessos de *Pfaffia glomerata* cedidos pela Universidade Federal de Viçosa (UFV). Para estimar as quantidades de DNA, folhas frescas de *P. glomerata* foram maceradas em tampão LB01 juntamente com folhas do padrão de referência (*Pisum sativum*). O material macerado foi aspirado por meio de duas camadas de gaze, utilizando uma pipeta de plástico e em seguida filtrado através de uma rede de nylon de 50 µm, sendo a suspensão nuclear recolhida em tubo de poliestireno e corada com 25 µL de iodeto de propídio a 1% (w/v). As amostras foram armazenadas a 4 °C no escuro e analisadas no máximo em 1-2 hs. Pelo menos 10 mil núcleos foram analisados para cada amostra usando um citômetro FACSCalibur. Os valores 2C de DNA de cada amostra foram calculados pela intensidade relativa de fluorescência da amostra e do padrão interno de referência. Três repetições para cada acesso foram analisadas a fim de se obter a média da estimativa do tamanho do genoma. A variação observada para os valores 2C foi de 2,37 a 2,60 pg. O coeficiente de variação do pico G0/G1 foi sempre inferior a 3%. Sobre o conteúdo de DNA, não foram observadas diferenças significativas entre os

acessos avaliados, sendo a média igual a 2,41pg para a espécie. Assim, nossos dados indicam que as variações fenotípicas observadas em *P. glomerata* não estão diretamente relacionados à quantidade de DNA.

Auxílio Financeiro: FAPEMIG, CAPES, CNPQ